



UNIVERSIDADE FEDERAL DO RIO DE JANEIRO
Concurso Público para provimento de vagas de cargos Técnico-Administrativos – Edital nº 293/2016
Resultado do julgamento dos recursos interpostos contra as questões da Prova Objetiva

Opção de Vaga:
B-219 – Químico (Proteínas e Síntese de Peptídeos)

Disciplina: Específica

Questão: 36

- Inscrições dos candidatos que interpuseram recurso:

1701448														
---------	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

- Parecer da Banca Examinadora:

De fato, a degradação de Edman ainda é utilizada atualmente para sequenciamento peptídico. Porém a pergunta é clara: “Assinale a alternativa que apresenta a afirmação que melhor representa o estado da arte na identificação e no assinalamento proteômico”.

1- Para o assinalamento proteômico que utiliza uma mistura de fragmentos trípticos, não é viável utilizar degradação de Edman. Somente a espectrometria de massa pode lidar com diversos fragmentos trípticos e assinalar cada um deles individualmente.

2- Outro ponto importante a ser considerado: o enunciado não pergunta qual o método correto, mas sim o método de escolha, àquele que representa o estado da arte. Isto é, o mais frequente e prático, que é claramente a espectrometria de massa é o método de escolha para assinalamento proteômico.

- Situação da questão: **mantida sem alteração de gabarito.**

Questão: 42

- Inscrições dos candidatos que interpuseram recurso:

1700820													
---------	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

- Parecer da Banca Examinadora:

Não há opção correta disponível. A resposta seria +2;-1.

- Situação da questão: **anulada.**

Questão: 43

- Inscrições dos candidatos que interpuseram recurso:

1702331	1702840	1700820	1701448	1709291									
---------	---------	---------	---------	---------	--	--	--	--	--	--	--	--	--

- Parecer da Banca Examinadora:

Não há opção correta disponível. A resposta seria 9,74. A questão pede o ponto isoelétrico do aminoácido lisina, que seria 9,74. Este valor não consta em nenhuma das alternativas. Além disso, o gabarito diz como correto a alternativa B, no valor de 5,97. Este é do ponto isoelético do aminoácido Glicina e não da Lisina como a questão solicita.

- Situação da questão: **anulada.**

Questão: 45

- Inscrições dos candidatos que interpuseram recurso:

1702840	1709291													
---------	---------	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

- Parecer da Banca Examinadora:

Não há opção correta entre as opções. A resposta correta seria: $V_{max} = 3,80$ e $K_m = 0,6$.

- Situação da questão: **anulada.**

Questão: 46

- Inscrições dos candidatos que interpuseram recurso:

1702840														
---------	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

- Parecer da Banca Examinadora:

Inibição acompetitiva é caracterizada pela redução da velocidade máxima de reação bem como pequenas alteração da constante de Michaelis (K_m), quando comparada à reação sem inibidor (representada pela Curva A). $V_0 = (V_{max} \cdot [S]) / (K_m + [S])$ 3. Inibição competitiva é caracterizada pela variação da constante de Michaelis enquanto a velocidade máxima permanece inalterada. $V_0 = (V_{max} \cdot [S]) / (aK_m + [S])$ Considerando as proposições acima, o comportamento da curva C refere-se à presença de inibidor acompetitivo. Portanto, a alternativa correta para a questão é a alternativa B: Curva B: inibidor competitivo e Curva C: inibidor acompetitivo. Fonte: Lehninger Principles of Biochemistry Fourth Edition - pag 209 a 211.

- Situação da questão: **mantida com alteração de gabarito: E para B.**

Questão: 53

- Inscrições dos candidatos que interpuseram recurso:

1700820	1702840	1701448	1709291											
---------	---------	---------	---------	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

- Parecer da Banca Examinadora:

A questão se encontra com o gabarito errado. A alternativa correta é a letra A.

- Situação da questão: **mantida com alteração de gabarito: B para A.**

Questão: 59

- Inscrições dos candidatos que interpuseram recurso:

1701448														
---------	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

- Parecer da Banca Examinadora:

Dentre as mais de quatro mil proteínas de *E. coli*, mais de 50% apresentam ponto isoelétrico (pi) próximo a 5,0. Dessa forma, apenas o uso de cromatografia de troca iônica (CTI) não é suficiente para purificar uma proteína recombinante com esse pi, já que essa característica é compartilhada pela maior parte do proteoma desse organismo. Até onde eu sei não existe um único exemplo de proteína com pi de 5,0 que foi purificada de *E. coli* com uso exclusivo de CTI. Se o candidato apresentar um referencial na literatura científica que prove o contrário reconsiderarei a questão. Quanto a questão não especificar o grau de pureza desejado essa informação é irrelevante na questão, a proteína obviamente tem que estar pura.

- Situação da questão: **mantida sem alteração de gabarito.**